



## Lajimääritys Luke:n näytteistä

Tutkimme näytteistä 17 mikrosatelliittilokuksen muuntelun ja vertasimme sitä suden ja koiran viiteaineistoon, jotka ovat genotyypitetty samojen lokusten suhteen. Susiaineistomme koostui 297 susiyksilöstä, jotka Jouni Aspin tutkimusryhmä on julkaissut aikaisemmin<sup>1</sup>. Koira-aineistomme koostui 78 koirayksilöstä, jotka edustavat Suomessa yleisesti tavattavia koirarotuja (43) ja lisäksi susikoira- ja laikarotuja (35). Tämän aineiston avulla arvioimme todennäköisyyden näytteiden alkuperälle Bayeslaisella menetelmällä<sup>2</sup>. Käytännössä määritimme todennäköisyyden sille, että ovatko näytteet alkuperältään susia, koiria tai näiden suoria risteymiä (F1). **Analyysin perusteella kaikki tutkitut näytteet ovat suurella todennäköisyydellä (>99.9 %) susia.**

Tutkitut näytteet:

12558-tis-Ind\_001

12561-tis-Ind\_002

12569-tis-Ind\_003

19.2.2016 TURKU

Päivämäärä ja palkka

Craig Primmer, genetiikan professori

19.2.2016 TURKU

Päivämäärä ja palkka

Meri Lindqvist, tutkimuskoordinaattori

<sup>1</sup>Jansson E, Ruokonen M, Kojola I & Aspi J (2012) Rise and fall of a wolf population: Genetic diversity and structure during recovery, rapid expansion, and drastic decline. *Molecular Ecology* 21: 5178–5193.

<sup>2</sup>Anderson, E. C. and E. A. Thompson (2002) A model-based method for identifying species hybrids using multilocus genetic data. *Genetics* 160: 1217–1229.